

Verdaulichkeit der Aminosäuren aus Triticale und Mais bei Legehennen

T. Zuber und M. Rodehutschord

Institut für Nutztierwissenschaften, Universität Hohenheim, Stuttgart

Tabelle 4: Aminosäurenverdaulichkeiten (%) der 20 Triticalegenotypen

Genotyp Nr.	Arg	His	Ile	Leu	Lys	Met	Phe	Thr	Trp	Val	Cys	Tyr	Ala	Asp	Glu	Pro	Ser
1	82	79	81	82	73	83	84	68	77	78	83	80	67	70	89	91	80
2	83	84	68	81	71	80	85	71	79	69	84	79	70	71	91	93	83
3	85	81	86	85	76	85	87	73	82	84	84	83	71	72	91	93	80
4	86	84	83	86	76	86	88	78	82	82	86	85	76	76	92	93	85
5	85	81	86	87	74	86	87	74	77	83	85	84	71	73	91	94	81
6	83	80	83	83	72	85	85	70	79	81	78	82	70	70	90	92	79
7	82	76	83	80	70	82	82	69	81	80	83	77	64	67	86	91	77
8	82	79	81	81	72	81	84	74	76	79	82	80	69	70	89	92	81
9	84	81	82	83	76	84	84	77	82	81	82	80	71	72	90	93	83
10	83	80	79	80	71	82	82	72	78	77	82	80	68	69	89	92	80
11	82	75	78	79	68	77	82	69	78	76	80	78	64	71	88	91	79
12	84	76	80	80	70	79	83	69	74	78	83	78	67	73	89	93	79
13	84	82	80	83	77	83	85	77	82	78	83	83	71	74	90	92	82
14	82	80	83	82	74	82	84	75	76	81	82	81	68	71	89	92	81
15	84	82	79	82	75	81	84	75	81	75	83	81	68	75	89	92	83
16	89	82	87	87	80	86	88	76	77	83	82	86	75	77	91	93	83
17	85	81	83	84	76	82	86	73	83	79	82	82	72	75	89	93	81
18	85	81	84	85	78	84	87	76	78	81	80	84	74	76	91	93	84
19	84	77	84	83	78	81	85	74	75	80	79	82	71	73	90	91	81
20	86	82	87	86	80	86	89	77	82	84	83	84	75	76	91	93	83
MW	84	80	82	83	74	83	85	73	79	79	82	81	70	73	90	92	81
SD	1,7	2,4	4,2	2,4	3,3	2,5	2,1	3,0	2,8	3,5	2,0	2,6	3,3	2,7	1,3	0,8	2,0

Tabelle 5: Aminosäurenverdaulichkeiten (%) der 20 Maisgenotypen

Genotyp Nr.	Arg	His	Ile	Leu	Lys	Met	Phe	Thr	Trp	Val	Cys	Tyr	Ala	Asp	Glu	Pro	Ser
1	92	85	91	94	78	93	91	82	80	92	93	90	90	84	90	93	87
2	92	84	89	93	80	91	90	80	78	89	90	88	89	83	85	93	84
3	89	86	83	94	78	90	91	80	68	85	87	90	90	82	91	93	88
4	89	86	89	93	75	90	91	82	21	89	87	89	90	81	90	93	86
5	89	85	83	92	76	93	90	76	66	85	86	88	88	78	91	93	86
6	92	90	89	94	82	93	93	86	80	91	91	91	91	85	92	95	90
7	85	80	78	89	64	86	85	72	61	80	80	83	83	72	85	86	80
9	92	90	91	95	83	92	94	86	78	92	92	92	92	86	93	95	91
11	90	88	86	93	78	90	91	82	65	87	88	90	89	82	91	93	88
12	90	89	83	94	77	90	91	85	74	86	90	90	90	82	91	95	90
13	94	91	93	96	85	94	95	89	85	94	93	94	94	90	95	97	93
14	90	87	88	94	76	90	92	82	61	88	89	91	90	83	92	94	87
17	90	85	88	93	80	92	91	80	71	88	88	90	89	82	93	93	88
18	92	90	91	95	81	92	93	88	88	91	92	92	91	87	94	96	92
19	90	84	90	93	75	91	91	80	52	89	88	90	89	82	92	92	86
20	90	89	88	94	79	92	91	85	65	89	92	91	90	83	92	93	90
21	90	90	89	94	81	92	92	86	77	89	90	91	90	85	92	95	91
24	91	89	89	94	79	91	92	86	72	89	91	91	91	84	92	95	91
26	91	89	88	93	83	93	91	86	64	89	90	90	90	83	93	95	90
27	93	92	90	95	84	94	93	88	75	90	91	92	92	86	95	95	92
MW	90	87	88	94	79	91	91	83	69	89	89	90	90	83	91	94	88
SD	1,9	2,9	3,6	1,4	4,5	1,9	1,9	4,2	14,3	3,0	3,0	2,2	2,0	3,5	2,6	2,2	3,2